

Supplementary Table S2

Peptide sequences identified by MALDI-TOF/TOF MS

Protein identity	Accession	Theoretical pI/MW	Peptide mass	Peptide sequence by MALDI-TOF-TOF
ApoA1	P02647	5.27/28078.62	<i>m/z</i> 704.3279	K.ETEGLR.Q
			<i>m/z</i> 732.3503	K.DLEEVK.A
			<i>m/z</i> 831.3713	R.LAEYHAK.A
			<i>m/z</i> 869.4779	R.QKVEPLR.A
			<i>m/z</i> 873.4126	R.AELQEGAR.Q
			<i>m/z</i> 896.4201	K.LHELQEK.L
			<i>m/z</i> 1008.5228	R.ARAHVVDALR.T
			<i>m/z</i> 1012.5083	K.AKPALEDLR.Q
			<i>m/z</i> 1031.4388	K.LSPLGEEMR.D
			<i>m/z</i> 1152.5613	R.QKLHELQEK.L
			<i>m/z</i> 1157.5508	R.LEALKENGGAR.L
			<i>m/z</i> 1215.5619	K.ATEHLSTLSEK.A
			<i>m/z</i> 1252.5560	K.VQPYLDDFQK.K
			<i>m/z</i> 1299.5087	K.WQEEMELYR.Q
			<i>m/z</i> 1301.5539	R.THLAPYSDEL.R.Q
			<i>m/z</i> 1307.5261	K.ETEGLRQEMSK.D
			<i>m/z</i> 1318.5744	K.LSPLGEEMRDR.A
			<i>m/z</i> 1323.5383	K.ETEGLRQEMSK.D
			<i>m/z</i> 1380.6466	K.VQPYLDDFQKK.W
			<i>m/z</i> 1400.6022	R.DYVSQFEGSALGK.Q
			<i>m/z</i> 1427.6592	K.KWQEEMELYR.Q
			<i>m/z</i> 1451.6726	K.AKVQPYLDDFQK.K
			<i>m/z</i> 1462.7777	R.VKDLATVYVDV.LK.D
			<i>m/z</i> 1467.7623	K.VEPLRAELQEGAR.Q
			<i>m/z</i> 1585.7484	R.THLAPYSDEL.RQR.L
			<i>m/z</i> 1815.7964	K.DSGRDYVSQFEGSALGK.Q
			<i>m/z</i> 1881.8834	K.LLDNWDSVTSTFSKLR.E
			<i>m/z</i> 1908.9398	K.LHELQEKLSPLGEEMR.D
			<i>m/z</i> 2064.0144	R.AHVVDALRTHLAPYSDEL.R.Q
			<i>m/z</i> 2202.2336	K.LREQLGPVTQEFWDNLEK.E
			<i>m/z</i> 2209.0707	K.QLNLKLLDNWDSVTSTFSK.L
			<i>m/z</i> 2224.3566	K.AKPALEDLRQGLLPVLESFK.V
			<i>m/z</i> 2598.3533	R.QGLLPVLESFKVSFLSALEEYTK.K
Transthyretin	P02766	5.31/13761.41	<i>m/z</i> 1366.7393	R.GSPAINNVAVHVFR.K
			<i>m/z</i> 2451.1833	K.ALGISPFHEHAEVVFTANDSGPR.R
			<i>m/z</i> 2645.2229	R.RYTIAALLSPYSTTAVVTNPK.E
APOH	P02749	8.34/38298.16	<i>m/z</i> 1445.6384	R.VCPFAGGILENGGAVR.Y