

Additional file 2: kNN error rates for different feature selection methods

Additional file 2: Table S1: ‘Breast’ dataset

N.genes	Wil-RS	mRMR	MP	POS
1	0.425	0.486	0.510	0.417
2	0.463	0.474	0.480	0.368
3	0.471	0.465	0.468	0.360
4	0.457	0.452	0.447	0.356
5	0.467	0.456	0.434	0.360
6	0.470	0.453	0.432	0.348
7	0.470	0.450	0.418	0.351
8	0.454	0.449	0.415	0.342
9	0.451	0.441	0.417	0.340
10	0.441	0.439	0.406	0.337
20	0.430	0.423	0.348	0.340
30	0.438	0.431	0.354	0.341
40	0.417	0.413	0.359	0.362
50	0.438	0.404	0.354	0.377

Additional file 2: Table S2: ‘Srbct’ dataset

N.genes	Wil-RS	mRMR	MP	POS
1	0.422	0.452	0.064	0.135
2	0.180	0.435	0.094	0.098
3	0.157	0.398	0.054	0.063
4	0.185	0.376	0.043	0.050
5	0.189	0.361	0.043	0.051
6	0.252	0.345	0.042	0.046
7	0.299	0.332	0.040	0.044
8	0.364	0.321	0.041	0.040
9	0.394	0.308	0.041	0.040
10	0.424	0.308	0.041	0.037
20	0.367	0.265	0.018	0.007
30	0.383	0.246	0.005	0.008
40	0.477	0.192	0.008	0.009
50	0.460	0.099	0.011	0.009

Additional file 2: Table S3: ‘Lung’ dataset

N.genes	Wil-RS	mRMR	MP	POS
1	0.430	0.162	0.062	0.033
2	0.426	0.139	0.051	0.035
3	0.416	0.125	0.041	0.034
4	0.370	0.112	0.039	0.024
5	0.335	0.105	0.035	0.021
6	0.301	0.095	0.033	0.019
7	0.290	0.087	0.031	0.017
8	0.281	0.081	0.028	0.015
9	0.257	0.080	0.027	0.013
10	0.234	0.078	0.024	0.012
20	0.239	0.064	0.017	0.018
30	0.239	0.065	0.020	0.022
40	0.217	0.057	0.023	0.025
50	0.213	0.028	0.026	0.021

Additional file 2: Table S4: ‘GSE4045’ dataset

N.genes	Wil-RS	mRMR	MP	POS
1	0.180	0.235	0.227	0.213
2	0.132	0.228	0.172	0.165
3	0.125	0.231	0.153	0.142
4	0.124	0.227	0.144	0.166
5	0.115	0.225	0.148	0.160
6	0.115	0.231	0.153	0.172
7	0.114	0.229	0.147	0.171
8	0.111	0.231	0.149	0.171
9	0.106	0.229	0.148	0.166
10	0.110	0.221	0.150	0.165
20	0.083	0.211	0.147	0.157
30	0.070	0.221	0.147	0.154
40	0.070	0.209	0.144	0.158
50	0.078	0.214	0.137	0.166

Additional file 2: Table S5: ‘GSE14333’ dataset

N.genes	Wil-RS	MP	POS
1	0.469	0.472	0.472
2	0.443	0.480	0.476
3	0.434	0.488	0.474
4	0.431	0.488	0.478
5	0.429	0.489	0.482
6	0.422	0.487	0.483
7	0.419	0.483	0.483
8	0.419	0.480	0.482
9	0.420	0.475	0.482
10	0.423	0.476	0.483
20	0.443	0.459	0.470
30	0.454	0.468	0.456
40	0.453	0.482	0.456
50	0.453	0.497	0.456

Additional file 2: Table S6: ‘GSE27854’ dataset

N.genes	Wil-RS	MP	POS
1	0.432	0.491	0.492
2	0.427	0.463	0.483
3	0.420	0.460	0.472
4	0.426	0.463	0.463
5	0.434	0.459	0.439
6	0.431	0.460	0.436
7	0.437	0.467	0.431
8	0.436	0.469	0.431
9	0.441	0.463	0.428
10	0.442	0.464	0.428
20	0.453	0.480	0.431
30	0.449	0.476	0.425
40	0.454	0.474	0.432
50	0.456	0.475	0.437