

广州基迪奥生物转录组线下培训班邀请函

尊敬的老师：

您好！非常荣幸邀请您参加基迪奥生物于2023年10月16-20日，在广州举办的线下转录组生信培训班。

培训班始终结合实际经验出发，带来最前沿的转录组组学研究思路！课程设计理论与实操兼顾。一条龙课程将开拓转录组的研究思路、掌握研究方法，上手分析实操、数据可视化，让学员快速掌握转录组数据的挖掘方法。

课程安排：

时间安排	课程主题	课程内容	课程类型
第一天	9: 00-11: 00	转录组研究概述 1.RNA类型介绍、对应测序手段简介 2.转录组在农学和医学中的应用和研究进展 3.RNA样本采集方法 4.转录组数据挖掘常见分析点 5.文章常见研究思路 6.课程的安排	概述简介
	11: 00-12: 00 14: 00-15: 30	R语言入门介绍 1.R语言概念及基础知识 2.数据简单操作：R包安装、函数指令、数据读取、R代码绘图、数据输出等	实际操作
	15: 30-18: 00	常见数据处理技巧介绍 1. 基于Excel的数据转换 2. Excel数据处理技巧介绍	实际操作
第二天	9: 00-12: 00	基于表达量分析的差异分析及绘图操作 1. 差异分析理论介绍 2. 差异分析的关键参数介绍 3. 差异分析图形结果与应用	理论介绍
		R语言图形绘制：小提琴图、盒形图、火山图、韦恩图	实际操作
	14: 00-18: 00	基于表达量分析的趋势分析及绘图操作 1. 趋势分析的理论介绍 2. 趋势分析的关键参数介绍 3. 趋势分析的应用 STEM软件进行趋势分析	理论介绍 实际操作
		基于表达量分析的WGCNA及绘图操作 1. WGCNA原理介绍 2. WGCNA的数据挖掘方法 热图绘制	理论介绍 实际操作
第三天	9: 00-12: 00	基于富集分析的功能分析介绍及绘图操作 常见做富集分析的数据库（GO/KEGG/DO/Reactome）介绍 富集分析背景介绍	理论介绍
		R语言图形绘制：富集柱状图、气泡图	实际操作
	14: 00-18: 00	GSEA富集分析方法原理和实操 1.GSEA富集分析原理介绍 2.GSEA软件作图 3.基于R制图	实际操作
		基于数据库的功能分析介绍 1. 常见数据库的介绍（NR、Swissprot、KOC/COG） 2. 其他数据库的介绍（Pfam、SMART、TF、TMHMM等、STRING）	理论介绍
	常见数据库操作介绍 1.植物TF数据库的介绍及使用 2.动物TF数据库的介绍及使用 3.STRING数据库使用	实际操作	
第四天	9: 00-12: 00	新型表观技术+转录组的理论介绍 1. 新型表观技术介绍 2. 新型表观技术+转录组的关联方法	理论介绍
		非编码RNA+转录组关联的理论介绍及作图 1. 两组学的关联方法及应用 2. ceRNA的关联方法及应用	理论介绍
		基于R语言的桑基图绘制	实际操作

时间安排		课程主题	课程内容	课程类型
第四天	14: 00-18: 00	转录组+蛋白组/翻译组/代谢组理论介绍及作图	1. 转录组+蛋白组/翻译组/代谢组关联方法介绍 2. 转录组+蛋白组/翻译组/代谢组的应用	理论介绍
			R语言图形绘制: 九象限图 (转录组+翻译组/蛋白组)	实际操作
		基于动态报告挖掘数据及绘图	基于Omicsmart转录组动态交互平台数据挖掘介绍	实际操作
第五天	9: 00-12: 00	调控网络图绘制	利用Cytoscape软件绘制网络图	实际案例
	14: 00-15: 00	转录组数据上传及技巧	1. 介绍测序数据上传基本流程 2. 转录组测序数据上传实操	实际操作
	15: 00-18: 00	转录组文章图形处理技巧	SCI文章图形基础要求 AI软件基础操作 基于AI的图形编辑美化、组合图排版	实际操作

培训时间: 2023年10月16-20日
 培训地点: 广州-基迪奥
 报名方式:
 发送姓名 单位、电话到邮箱
 contact@genedenovo.com
 主题注明“转录组培训班”
 报名截止时间: 2023 年10月11日
 报名费用: 5000元/人 (食宿费自理)

客服: 020-39341079/
 18054271626 邓小姐
 转账信息:
 户名: 广州基迪奥生物科技有限公司
 账号: 727658227217
 开户行: 中国银行番禺大学城支行
 附言:
 “付款单位全称+付款人姓名+培训费”


 广州基迪奥生物科技有限公司
 2023年9月15日